



Charte d'utilisation de la plateforme BiBs - Laboratoire EDC

1 Préambule

La plateforme BiBs de l'UMR7216 développe et met à disposition des protocoles standardisés pour l'analyse de données NGS en épigénomique. Nous maintenons également l'accès à une ressource de calcul locale et nous fournissons aux équipes du laboratoire un éventail de services liés à la bioinformatique. Ces services incluent notamment la veille technologique, des analyses spécifiques, ainsi que des formations personnalisées pour nos utilisateurs. Toute utilisation de la plateforme implique l'acceptation de la présente charte.

Historique de la charte

- 10/2021 : Première version
- 04/2022 : Relecture par Olivier Kirsh
- 10/2022 : Mise à jour localisation
- 01/2023 : Ajout remerciement iPOP-UP et IDEX

Objet et domaine d'application

La présente charte a pour objet de définir les conditions d'utilisation et les règles de bon usage des services de la plateforme bio-informatique BiBs.

Site web de la plateforme

Toutes les informations concernant la plateforme et son fonctionnement peuvent être trouvées sur <https://parisepigenetics.github.io/bibs/>.

Mail du support

Pour toute information concernant la plateforme BiBs, merci de contacter bibs@parisepigenetics.com.

Adresse de la plateforme

Plateforme BiBs

UMR7216 – Epigénétique et Destin Cellulaire
Bâtiment Lamarck B
3e étage, salle 366b
35 rue Hélène Brion
75013 Paris

Comité de pilotage

Le comité de pilotage de BiBs comprend les membres de la plateformes, des personnes du laboratoire et un intervenant extérieur au laboratoire. Il se réunit une fois par mois et décide de la politique de la plateforme et de son investissement dans les différents projets soumis. Il est actuellement composé de:

- Valérie Lallemand-Mezger
- Claire Rougeulle
- Olivier Kirsh
- Jean-François Ouimette
- Florent Hubé
- Magali Hennion
- Pierre Poulain (IJM)

2 Missions de la plateforme

- Accompagner les utilisateurs dans leurs analyses.
- Développer des pipelines pour rendre accessible à tous certaines analyses.
- Participer à la formation des membres de l'unité.
- Maintenir et disséminer les outils et pipelines développés par les membres de l'unité.
- Promouvoir la collaboration et l'échange de connaissances.
- Promouvoir les bonnes pratiques en terme de développement de code et de gestion des données.
- Fournir une expertise en bioinformatique (relecture d'articles ou de demandes de financement, recrutement).
- Fournir un accès à la ressource de calcul iPOP-UP.

3 Conditions d'accès à la plateforme

La plateforme BiBs est destinée à tous les membres de l'unité Epigénétique et Destin Cellulaire (UMR7216), ainsi qu'aux collaborateurs externes des équipes du laboratoire.

Recevoir de l'aide

Pour les simples questions, l'utilisateur peut passer nous voir salle 366b (Lamarck B) ou nous contacter par email à l'adresse bibs@parisepigenetics.com.

Si nous jugeons que la demande requiert un temps de travail important, l'utilisateur devra compléter le formulaire d'accès à la plateforme accessible via notre page web <http://parisepigenetics.com/pbi>. Le formulaire devra décrire le projet et proposer un cahier des charges. Un rendez-vous sera fixé afin de monter le projet de façon collaborative, d'estimer le temps nécessaire au développement ou aux analyses, et d'estimer les ressources nécessaires (ETP et moyens de calcul, du début et de la fin du projet).

La demande sera ensuite soumise au comité de pilotage de la plateforme qui décidera de la façon la plus adéquate d'y répondre.

Pour des projets hors de nos compétences, nous pourrions fournir une liste d'experts (contacts, collaborateurs) potentiels.

Notes importantes

- Nous ne travaillons pas sur des projets entamés si les protocoles (code, scripts) et les données brutes ne sont pas rendues disponibles.
- Les analyses se font toujours sur des données brutes.
- Tout projet sans suivi attentif du porteur de projet sera abandonné.
- La plateforme ne travaille sur des développements méthodologiques que s'ils sont susceptibles d'intéresser d'autres membres du laboratoire. L'ensemble des scripts développés sera mis à disposition du laboratoire.
- Les données sont de la responsabilité du porteur de projet et ne seront pas rendues publiques par la plateforme.

Accès au cluster de calcul

Les moyens de calcul sont gérés par la plateforme iPOP-UP (resp. Alix Silvert). L'attribution d'un compte est soumise à :

- une validation par l'équipe iPOP-UP ;
- l'acceptation de la présente charte, ainsi que de la charte iPOP-UP;
- la possession d'un mail institutionnel.

Pour demander la création d'un compte sur le cluster de calcul iPOP-UP, en attendant la mise en place d'un formulaire en ligne, écrire à Julien Rey (julien.rey@u-paris.fr) en envoyant les informations suivantes:

- NOM, Prénom :
- Unité/labou : umr7216
- Adresse email (institutionnelle) : toto@etu.u-paris.fr
- Nom du projet (acronyme) : cavamarcher
- Espace disque nécessaire au projet : 1 To
- Type(s) de données à analyser : RNAseq, ChIPseq, WGBS, ...

Toute personne utilisant le cluster doit inclure dans ses communications: « The bioinformatics analyses were performed on the HPC cluster of iPOP-UP, hosted by RPBS and funded by the Université Paris Cité (IDEX) ».

La plateforme BiBs et le cluster iPOP-UP n'ont pas la certification les autorisant à héberger des données de santé ou à caractères personnels. Chaque utilisateur est soumis à la loi de protection des données personnelles lorsqu'il stocke et/ou analyse ses données sur les serveurs de la plateforme BiBs (par exemple des données de séquençage humain).

4 Publications et valorisation des résultats

- Toute personne ayant reçu de l'aide de la plateforme au cours d'un projet se doit de remercier la ou les personnes impliquées dans toute communication (incluant articles, posters, présentations), en utilisant la formule suivante:

“We thank [name(s) of staff member(s)] for bioinformatics support provided at the Bioinformatics and Biostatistics Core Facility, Paris Epigenetics and Cell Fate Center.”

- Toute publication demandant des analyses ou du développement logiciel spécifique devra comporter le nom du membre de la plateforme ayant effectué ces travaux dans la liste des auteurs ainsi que la plateforme BiBs dans les remerciements:

“We thank the Bioinformatics and Biostatistics Core Facility, Paris Epigenetics and Cell Fate Center for bioinformatics support.”

5 Déclaration d'acceptation de la charte d'utilisation de la plateforme BiBs

Utilisateur

Nom:

Prénom:

Email:

Je, soussigné(e) _____, déclare avoir pris connaissance de la charte d'utilisation de la plateforme BiBs du laboratoire EDC et m'engage à la respecter.

Fait à Paris, le :

Signature de l'utilisateur